



SEQUENCE LISTING

<100> Drmanac, Radoje

<120> METHODS AND COMPOSITIONS FOR EFFICIENT NUCLEIC ACID SEQUENCING

<130> 27373/36067

<140> 09/272,232

<141> 1999-03-18

<150> US 08/303,058

<151> 1994-09-08

<150> US 08/127,420

<151> 1993-09-27

<160> 10

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 12

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Primer

<400> 1

aaaaaatttt tt

12

<210> 2

<211> 13

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Primer

<400> 2

aaaaaatttt ttc

13

<210> 3

<211> 12

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Primer

<400> 3
aaaaattttt ta

12

<210> 4
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 4
aaaaattttt tt

12

<210> 5
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 5
aaaaattttt tc

12

<210> 6
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 6
aaaaattttt tg

12

<210> 7
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 7
taaaaatttt tt

12

<210> 8
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 8
caaaaatttt tt

12

<210> 9
<211> 12
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 9
gaaaaatttt tt

12

<210> 10
<211> 11
<212> DNA
<213> Artificial sequence

<220>
<223> Primer

<400> 10
aaaaaat t

11